



XII CAIC – Congresso Anual de Iniciação Científica  
XV ECIF – Encontro Científico da FAMERP  
VII COLIG – Mostra das Ligas Acadêmicas  
Dias 06 e 07 de outubro de 2015



**DIVERSIDADE DE GENES DE VIRULÊNCIA EM ESCHERICHIA COLI  
ISOLADAS DE PACIENTES COM INFECÇÃO URINÁRIA**

**Letícia Kalir Pradela<sup>1</sup>, Naiady Konno Madela<sup>2</sup>, Mara Correa Lelles Nogueira<sup>3</sup>, Gisele Aparecida Remeli<sup>4</sup>, Ana Carolina Tegon de Freitas<sup>5</sup>.**

<sup>1</sup>FAMERP, <sup>2</sup>FAMERP, <sup>3</sup>FAMERP, <sup>4</sup>FAMERP, <sup>5</sup>FAMERP.

**Introdução:** As infecções do trato urinário são as infecções mais comuns em humanos, e a maioria dos casos é causada por *Escherichia coli*. Nestas bactérias, fatores de virulência exercem importante papel no desenvolvimento da infecção, atuando na colonização e invasão do uroepitélio, captação de nutrientes, evasão do sistema imune e estimulação da resposta inflamatória. **Objetivo:** Investigar a presença de 21 diferentes genes de virulência em *Escherichia coli* isoladas de urina de pacientes com infecção do trato urinário. **Casuística e Métodos:** O total de 16 cepas de *Escherichia coli* isoladas de pacientes distintos, com infecção do trato urinário, atendidos no Hospital de Base de São José do Rio Preto foi submetido à reação em cadeia de polimerase (PCR) multiplex para detecção de 21 genes de virulência. **Resultados:** Foram detectados os seguintes genes de virulência: *fim H*, em 15 isolados; *papEF* em 5; *papGII* em 5; *kpsMTK1* em 3; *kpsMTK5* em 7; *hlyA* em 2; *cnfI* em 3; *fyuA* em 10; *iutA* em 10; *usp* em 7; *afa/draBC* em 1; *iroN* em 1; *satem 7*. Em apenas uma amostra não foi detectado nenhum gene de virulência. **Conclusão:** Diferentes cepas de *Escherichia coli* apresentam combinações variadas de genes de virulência.

**Descritores:** *Escherichia Coli*; Virulência; Infecção Urinária.